

# BOLETIM EPIDEMIOLÓGICO

## ARBOVIROSES URBANAS (DENGUE, CHIKUNGUNYA E ZIKA)

Nº 382 Semana Epidemiológica 02/2026

19 de Janeiro de 2026



GOVERNO  
DO  
ESTADO  
DE  
MINAS  
GERAIS

1

## CENÁRIO EM MINAS GERAIS, 2026



Distribuição de Casos Prováveis de Arboviroses, por Ano de Início de Sintomas



Fonte: SINAN – Dados parciais, sujeitos a alterações. Atualizado em segunda-feira, 19 de janeiro de 2025

2

## CASOS PROVÁVEIS DE ARBOVIROSES URBANAS

### DENGUE



### CHIKUNGUNYA



### ZIKA



Nota1: Minas Gerais vivenciou cinco epidemias de dengue, nos anos de 2010, 2013, 2016, 2019, 2023 e 2024.

3

## SOROTIPOS CIRCULANTES DE DENGUE POR UNIDADE REGIONAL DE SAÚDE, MINAS GERAIS, 2026



| NM_URS         | DENV1 | DENV2 | DENV3 | DENV4 |
|----------------|-------|-------|-------|-------|
| Belo Horizonte | 2     |       |       |       |
| Montes Claros  |       | 12    |       |       |
| Total          |       | 14    |       |       |

Total

Fonte: GAL – Dados parciais, sujeitos a alterações. Atualizado em sábado, 10/01/2026

4

## MONITORAMENTO VIRAL, MINAS GERAIS, 2026

### Dengue

| Resultados Liberados | Nº exames positivos | Nº exames negativos | Positividade |
|----------------------|---------------------|---------------------|--------------|
| 507                  | 15                  | 490                 | 3,0          |

### Chikungunya

| Resultados Liberados | Nº exames positivos | Nº exames negativos | Positividade |
|----------------------|---------------------|---------------------|--------------|
| 526                  | 0                   | 526                 | 0,0          |

### Zika

| Resultados Liberados | Nº exames positivos | Nº exames negativos | Positividade |
|----------------------|---------------------|---------------------|--------------|
| 507                  | 0                   | 507                 | 0,0          |

Fonte: GAL – Dados parciais, sujeitos a alterações. Atualizado em sábado, 10/01/2026

Fonte: GAL – Considerados apenas os exames de biologia molecular feitos pelo método RT-PCR